

Pälsdjurens avelsprogram

Hur ett avelsprogram fungerar följs upp med hjälp av genetiska trender. Dessa trender beskriver det genetiska framsteget och hur man har lyckats med avelsurvalen. Från bilden med de genetiska trenderna ser man bra, att två olika egenskaper (graderingsegenskaper och fertilitet) kan förbättras samtidigt med hjälp av en statistisk modell för flere egenskaper. Det genetiska framsteget för rävstorleken har hittills hållits måttligt i avelsprogrammet då man märkte att den snabba tillväxten av storleken år 1988-2002 försämrade märkbart fertilitetsegenskaperna (Koivula et al. 2009). För tillfället är den genetiska trenden stigande och nuvarande djur är i förhållande till dessa egenskaper genetiskt bättre än de förfäder som levde för tio år sedan.

De genetiska trenderna visar, att blårävens avelsprogram har fungerat som det skall göra. De nya beräkningsmodellerna och utvecklingen av avelsprogrammet har påverkat positivt på egenskapernas genetiska framsteg. Räkenskapsmodellen för blårävens kullstorlek (FERT1) togs i bruk år 2004 (Peura et al. 2004). Indexet som beskriver hur dräktigheten och valpningen lyckas (FERT2) togs med i avelsprogrammet år 2009 (Koivula et al. 2009). Den nationella avelsvärderingens nya statistiska modeller kommer att tas i bruk stegvis under åren 2017-2018.

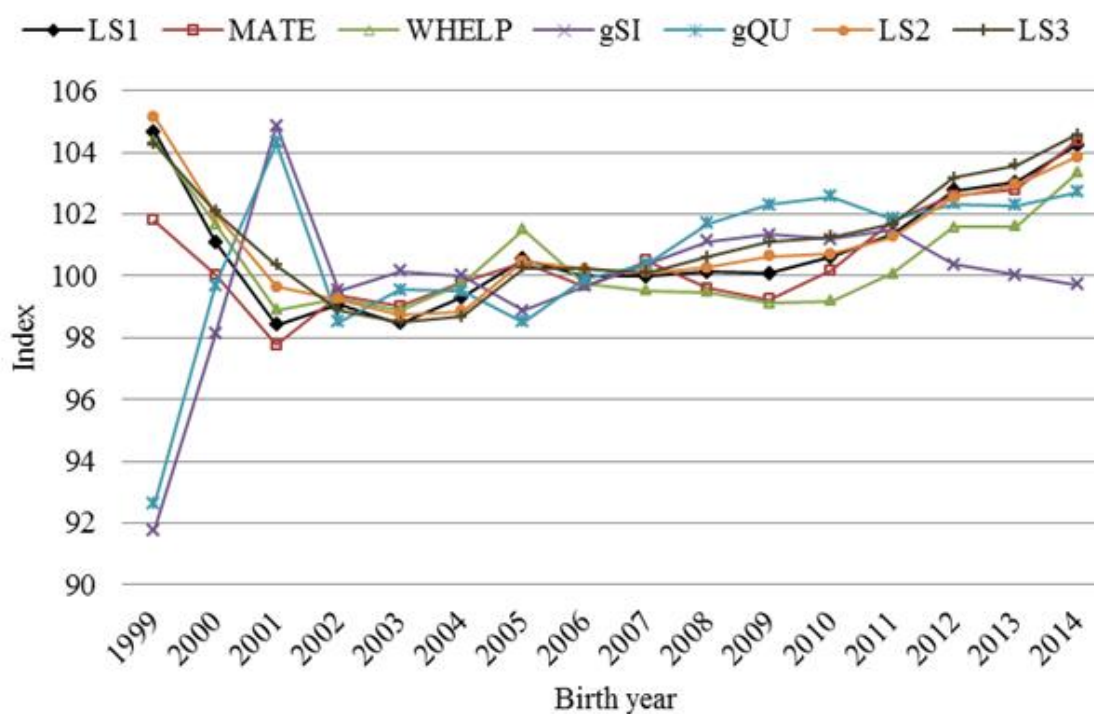


Bild1. De genetiska trenderna för egenskaper som avlas på finländsk blåräv. Dessa trender beskriver det genetiska framsteget. Den första (LS1), andra (LS2), tredje (LS3) kullstorleken, dräktighet (PREG) och lyckad dräktighet (LOSS) samt graderingsstorlek (gSI) och kvalitet (gQU) genetiska nivå har uträknats födelseårsvis. Från de estimerade avelsvärdena har uträknats BLUP-index som är standardiserade för årsklasserna 2004-2008. Medeltalen på jämförelsegruppens index är 100 och spridningen 10.

Forskningsdatan har insamlats från nio farmar som använder WebSampo. Dessa farmar idkar avelssamarbete och det fanns mycket släktskapslänkar mellan djuren i farmarna (Saga Furs Oyj). Varianskomponenterna, avelsvärden och de genetiska trenderna är uträknade från resultat av 46 000 blårävar.